

SEQ.LISTING.ST25  
SEQUENCE LISTING

<110> Biocept, Inc.

<120> DETECTION OF CHROMSOMAL DISORDERS

<130> 81665

<160> 42

<170> PatentIn version 3.2

<210> 1

<211> 19

<212> DNA

<213> PRIMER

<400> 1

tggtgaagca ggcgtcgga

19

<210> 2

<211> 22

<212> DNA

<213> PRIMER

<400> 2

aagtggctgt tgagggcaat gc

22

<210> 3

<211> 22

<212> DNA

<213> PRIMER

<400> 3

caggaggcg tttctcaagg at

22

<210> 4

<211> 22

<212> DNA

<213> PRIMER

<400> 4

tccaagagga aatccccacc ct

22

<210> 5

<211> 22

<212> DNA

<213> PRIMER

<400> 5

cgattcatc gtgtggtctc gc

22

<210> 6

<211> 22

<212> DNA

<213> PRIMER

<400> 6

## SEQ.LISTING.ST25

ctgtgcctcc tggaagaatg gc 22

<210> 7  
<211> 22  
<212> DNA  
<213> PRIMER

<400> 7  
acatgggtccc tgagggtcttc gg 22

<210> 8  
<211> 22  
<212> DNA  
<213> PRIMER

<400> 8  
gctccattga aggcaagggtc cg 22

<210> 9  
<211> 22  
<212> DNA  
<213> PRIMER

<400> 9  
ccgccacgaa ggttgagaac aa 22

<210> 10  
<211> 22  
<212> DNA  
<213> PRIMER

<400> 10  
tcaaacatcg tccaccccag gg 22

<210> 11  
<211> 22  
<212> DNA  
<213> PRIMER

<400> 11  
agcagatgac ttgggcaaag gt 22

<210> 12  
<211> 22  
<212> DNA  
<213> PRIMER

<400> 12  
ggcctcagac tacatccaag gg 22

<210> 13  
<211> 24  
<212> DNA  
<213> PRIMER

<400> 13

## SEQ.LISTING.ST25

tgttgctgag ttctcagtgc catt	24
<210> 14	
<211> 24	
<212> DNA	
<213> PROBE	
<400> 14	
tcaggaagga caggatagac agca	24
<210> 15	
<211> 22	
<212> DNA	
<213> PRIMER	
<400> 15	
cgttggtgct actgcttggt gg	22
<210> 16	
<211> 22	
<212> DNA	
<213> PRIMER	
<400> 16	
cgctcccctc ttgtttcctt gc	22
<210> 17	
<211> 21	
<212> DNA	
<213> PRIMER	
<400> 17	
cccgtgaagt tccatgtgcc a	21
<210> 18	
<211> 22	
<212> DNA	
<213> PRIMER	
<400> 18	
agattaagcg ggttctgtgc ga	22
<210> 19	
<211> 45	
<212> DNA	
<213> PROBE	
<400> 19	
ctacactgag caccaggtgg tctcctctga cttcaacagc gacac	45
<210> 20	
<211> 45	
<212> DNA	
<213> PROBE	
<400> 20	

ctcaaggata agagcgacac ggcctgacag tcactagtat tcatt 45

<210> 21  
 <211> 45  
 <212> DNA  
 <213> PROBE

<400> 21  
 tctagagaat cccagaatgc gaaactcaga gatcagcaag cagct 45

<210> 22  
 <211> 45  
 <212> DNA  
 <213> PROBE

<400> 22  
 ctgataagtg atgacggcct cttggttgct gagtgagact ttgac 45

<210> 23  
 <211> 45  
 <212> DNA  
 <213> PROBE

<400> 23  
 acgtattccg tctgcacagg caaccaaggc cagtagaaaag ctatg 45

<210> 24  
 <211> 45  
 <212> DNA  
 <213> PROBE

<400> 24  
 caaagggtgga aatgaagaaa gtacaaagac aggaaacgct ggaag 45

<210> 25  
 <211> 44  
 <212> DNA  
 <213> PROBE

<400> 25  
 gctcttgatt ttctctctgg ggaggcacac ccggcaaattg agaa 44

<210> 26  
 <211> 44  
 <212> DNA  
 <213> PROBE

<400> 26  
 gaatgtaaac cttttgtaac cccatcccat gcccctccga ctcc 44

<210> 27  
 <211> 46  
 <212> DNA  
 <213> PROBE

<400> 27

cagagacaca aacatacaaa ggaaagatcc agacattcaa cgtaga 46

<210> 28  
 <211> 22  
 <212> DNA  
 <213> PRIMER

<400> 28  
 tggctttcgt acagtcattcc ct 22

<210> 29  
 <211> 24  
 <212> DNA  
 <213> PRIMER

<400> 29  
 cacagaaatt acaggccattg caca 24

<210> 30  
 <211> 34  
 <212> DNA  
 <213> PRIMER

<400> 30  
 ctcattcaaac ctatataagc acgtggacac tgga 34

<210> 31  
 <211> 35  
 <212> DNA  
 <213> PRIMER

<400> 31  
 ggggtccattg gtctaggtaa aaaatgtgtg aattt 35

<210> 32  
 <211> 24  
 <212> DNA  
 <213> PRIMER

<400> 32  
 tgcctcagtt tctagtcagc caat 24

<210> 33  
 <211> 24  
 <212> DNA  
 <213> PRIMER

<400> 33  
 aggtctttac cccaggcatt caca 24

<210> 34  
 <211> 34  
 <212> DNA  
 <213> PRIMER

<400> 34

	SEQ.LISTING.ST25	
tttgggtatt gttgggagga ggtagtgatt actt		34
<210> 35		
<211> 35		
<212> DNA		
<213> PRIMER		
<400> 35		
tcctgtcttt gtactttctt catttccacc tttgc		35
<210> 36		
<211> 45		
<212> DNA		
<213> PROBE		
<400> 36		
tcttcgcctt ccgacgaggt cgatacttat aattcgggta tttct		45
<210> 37		
<211> 45		
<212> DNA		
<213> PROBE		
<400> 37		
gatactatgt tgcattaaat aaagatggga ccccgagaga aggga		45
<210> 38		
<211> 45		
<212> DNA		
<213> PROBE		
<400> 38		
cagcccaaag ttatcttctt aaatttttta cagggtccatg aaaaa		45
<210> 39		
<211> 45		
<212> DNA		
<213> PROBE		
<400> 39		
cagcccaaag ttatcttctt aaatttttta cagggtccatg aaaaa		45
<210> 40		
<211> 24		
<212> DNA		
<213> PRIMER		
<400> 40		
gattctcatg ggttggccag gata		24
<210> 41		
<211> 24		
<212> DNA		
<213> PRIMER		
<400> 41		

	actccagagc tcaaagtaac ccac	SEQ.LISTING.ST25	24
<210>	42		
<211>	44		
<212>	DNA		
<213>	PROBE		
<400>	42		
	acatcttctg tctattgaaa ggcaacttac ggctgggcgt ggtg		44